

エクソソーム RNA の次世代シーケンス解析受託サービス Exo-NGS

試料からエクソソームを単離し、Illumina 社の次世代シーケンサー (MiSeq / HiSeq) により、エクソソーム RNA 関連バイオマーカーの同定を行う受託サービスです。試料中の新規エクソソーム RNA の同定、モデル細胞システムや動物体液に含まれるエクソソーム中のバイオマーカー存在分布などの分析を、迅速に行います。

お客様にご提供いただく試料の目安

試料	必要量	試料	必要量
血清	500 μl~1 ml	尿	5 ml~10 ml
血漿		脳脊髄液 (CSF)	
腹水		細胞培養液 (無血清)	

※上記以外の試料については、お問い合わせ下さい。

サービスの流れ

1. 試料をフナコシへお送りいただきます。

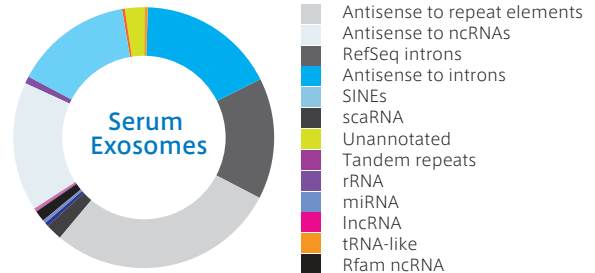
Send your sample

2. SBI 社において解析を行います。

- エクソソームの単離
- NGS の実施
- small RNA の精製
- リードの QC
- ライブラリー構築・QC
- ACGT CCGG データを納品

解析データ例

本サービスにより得られたデータは、クラウドベースの UCSC Genome Browser でご覧いただけます。



ご注文方法/価格

詳細は当社受託・特注品担当までお問い合わせ下さい。
[メーカー：SBI]

miRNA-Seq / Small RNA-Seq 解析サービス (ヒト/マウス)

遺伝子発現に大きく影響を与えることが知られている miRNA や、スプライシングに関わるとされる small nuclear RNA (snRNA) などの small RNA を網羅的に解析します。(株)DNA チップ研究所では微量試料の解析に力を入れており、特にエクソソーム由来 small RNA を用いた解析の実績が豊富です。

測定試料

- 血清・血漿由来 total RNA
- 細胞・組織由来 total RNA
- 血中エクソソーム RNA

解析の流れ

1. 試料のクオリティチェック (QC) を行います。
2. miRNA または Small RNA を対象としたシーケンスライブラリーを調製します。
3. illumina 社次世代シーケンサーで解析します。
4. シーケンス後のデータは、リファレンスゲノムにアライメント (マッピング) 後、発現量を定量化 (正規化) し、アノテーション情報を含む Excel 形式のファイルを作成します。デフォルトでは、TMM で定量化します。ご要望に応じて、Small RNA の分類、発現変動遺伝子抽出、ターゲット遺伝子予測などの解析を実施します。

納品物例

納品物	解析対象	
	miRNA	small RNA
original_fastq (FASTQ 生データ)	●	●
Trimmed_fastq (トリミング済み FASTQ)	—	●
試料 QC 結果 (品質検査結果)	●	●
データ QC 結果 (FastQC, MultiQC)	●	●
Bam (アライメントデータ)	—	●
データ解析結果 正規化, 変動 miRNA 抽出, 変動 Small RNA 抽出*	●	●
データ解析結果 (オプション) ターゲット遺伝子予測, GO 解析, Pathway 解析	●	●

*small RNA 解析のみ

※USB メモリなどの記憶媒体、またはクラウド経由で納品します。

ご注文方法/価格

詳細は当社受託・特注品担当までお問い合わせ下さい。
[メーカー：DNA]