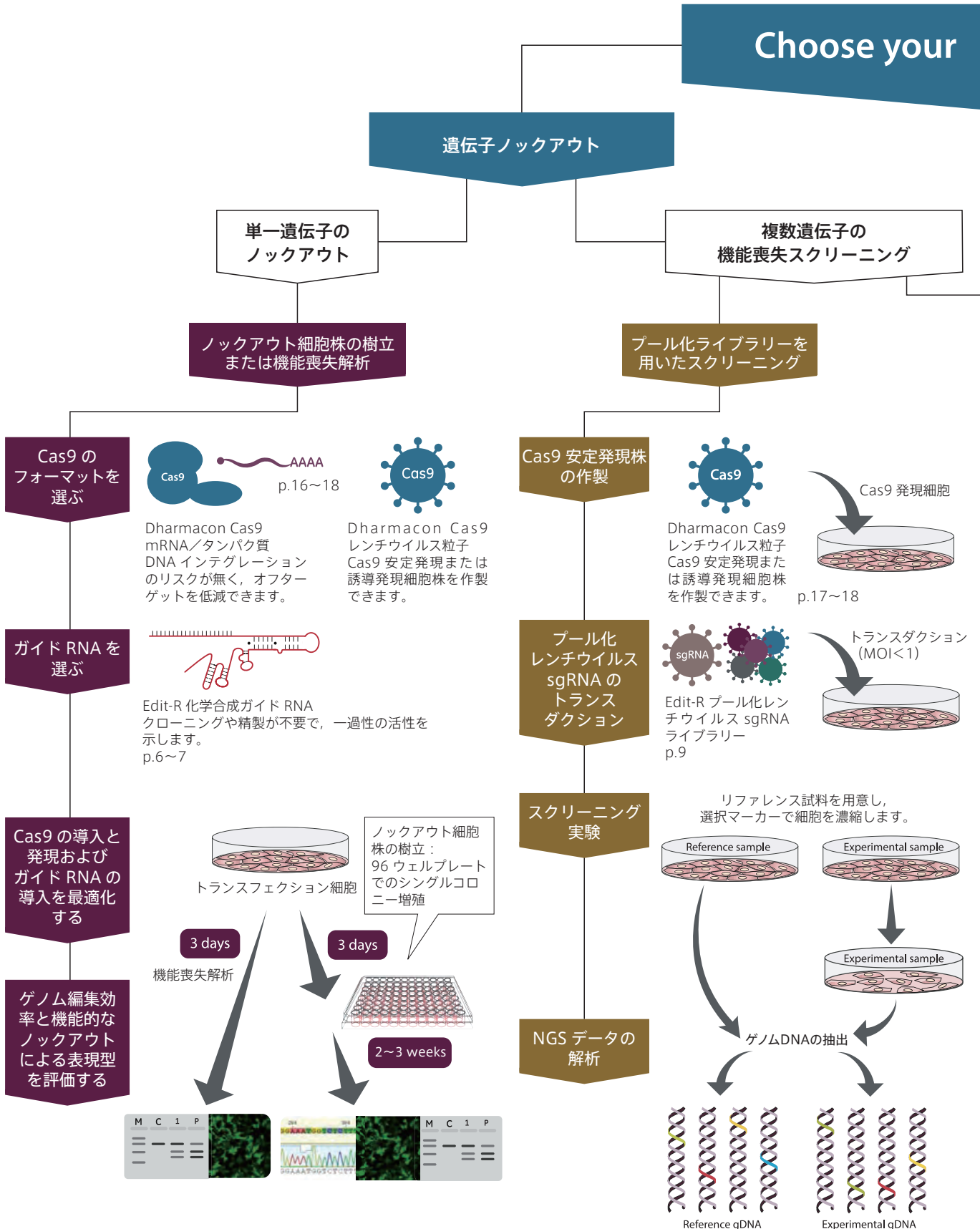


Dharmacon™ Edit-R™ Gene Editing Workflows

Choose the right tools for your application

NHEJ (非相同末端結合) を介した遺伝子ノックアウト, または HDR (相同組換え修復) を介した挿入やノックインについて, Horizon Discovery 社 Dharmacon™ Edit-R™ ゲノム編集試薬シリーズのツールを選択するためのワークフローガイドです。



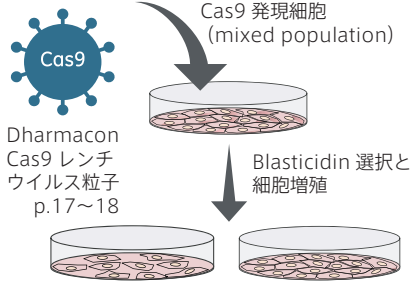
スクリーニング結果の読み出し (細胞死など) を行った後, sgRNA 配列を PCR 増幅し, 細胞プール内で増減した sgRNA 配列を次世代シーケンサーによって同定します。

application

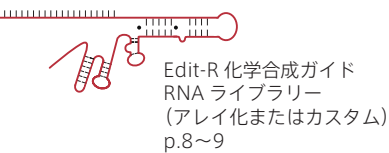
遺伝子ノックイン

アレイ化ライブラリーを用いたスクリーニング
(1ウェルにつき1遺伝子で解析する)

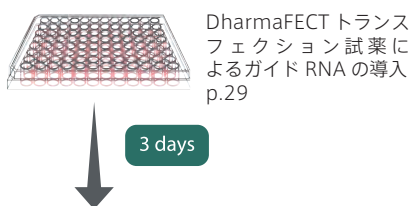
Cas9 安定発現株の作製



ガイド RNA を選ぶ



アレイ化スクリーニング実験



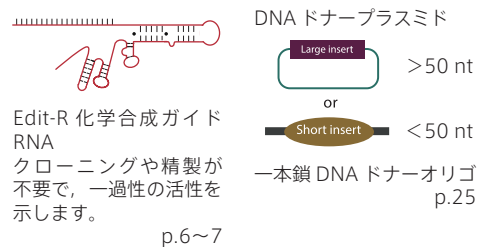
表現型の評価



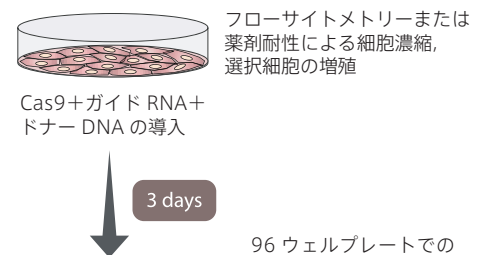
Cas9 のフォーマットを選ぶ



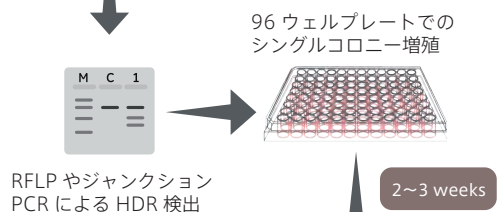
ガイド RNA とドナーオリゴを選ぶ



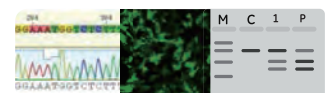
Cas9 やガイド RNA の導入と発現およびドナーオリゴの導入を最適化する



HDR 効率の評価



クローン化した細胞株の解析



horizondiscovery.com