

## 組換え抗体のスクリーニングに有用です

## TrueRepertoire Sequencing Service

T 細胞/B 細胞由来の DNA / RNA や抗体ライブラリー（ファージディスプレイなど）を試料として、NGS により抗体の  $V_L$ ,  $V_H$  領域を解析する受託サービスです。1 度に最大 10,000 種類の抗体クローンを解析し、対となる  $V_L$  と  $V_H$  の組み合わせを維持した配列情報を取得できます。各クローンの配列レポートのほか、解読した抗体の配列を含むプラスミド DNA を納品します。

## 特長

- NGS により高感度に解析できるため、これまで見落とされていたクローンの情報を取得できます。
- ご提供いただいた試料をもとに、scFv や Fab フォーマットの抗体ライブラリーを含む大腸菌を作成します。大腸菌をシングルコロニーに分離し、NGS により  $V_L$  および  $V_H$  領域の配列を決定します。
- 大腸菌用プラスミドベクターをベースにしたファージディスプレイなどの抗体ライブラリーに対応します。また、T 細胞/B 細胞から抽出した DNA / RNA や、抗体の配列を含む DNA / RNA をご用意いただき、Celemics 社で抗体ライブラリーを作製して解析することも可能です。

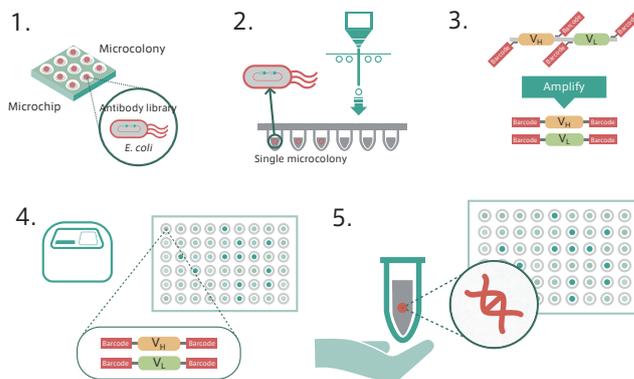
## ご注文方法/価格

詳細は、当社受託・特注品担当までお問い合わせ下さい。

[メーカー：CLM]

※そのほかの免疫レパトア解析についてはご相談下さい。免疫グロブリンや各クローンが保持する BCR / TCR の多様性を解析します。

## サービスのワークフロー



1. ご提供いただいた試料をもとに、 $V_L$ - $V_H$  領域を含む抗体ライブラリーを作成して大腸菌を形質転換後、独自技術でマイクロチップ上に微小コロニーを形成させます。
2. 独自プラットフォームにより大腸菌をシングルコロニーで分離します。
3. 各コロニーに対し、マルチプレックス PCR により  $V_L$  および  $V_H$  領域をバーコード標識します。
4. NGS により、対となる  $V_L$  および  $V_H$  領域の配列情報を取得します。
5. 配列情報を含むレポートと、解読した配列の DNA が納品されます。

## こちらもおススメ

## モノクローナル抗体のシーケンシング受託サービス

## ■抗体タンパク質からのシーケンシング

LC-MS-MS および *de novo* ペプチドシーケンシングにより、モノクローナル抗体タンパク質のアミノ酸配列を解析します。

## ■ハイブリドーマからのシーケンシング

ご提供いただいたハイブリドーマから産生される抗体の  $V_H$ ,  $V_L$  領域の遺伝子シーケンシングを行い、 $V_H$ ,  $V_L$  領域の配列情報を含む抗体配列のレポートを納品します。



抗体タンパク質からの  
シーケンシング

Web ページ番号

65680



ハイブリドーマからの  
シーケンシング

Web ページ番号

64307



Web ページ番号

63126



## テロメア長測定受託サービス

培養細胞・末梢血細胞・組織などから DNA を抽出・精製し、独自の測定法である G-tail telomere HPA 法を用いてテロメア長を測定する受託サービスです。熱変性したゲノム DNA に対し、テロメア配列に相補的な配列のプロープをハイブリダイズし、化学発光によりテロメア長を測定します。

## 特長

- 微量の DNA でも測定可能です。
- 小スケールで一度に多くのサンプルを測定でき、安価かつハイスループットな測定法です。
- 定量性が高く、安定した測定結果を得ることができます。

## ご注文方法/価格

詳細は、当社受託・特注品担当までお問い合わせ下さい。

[メーカー：MRT]