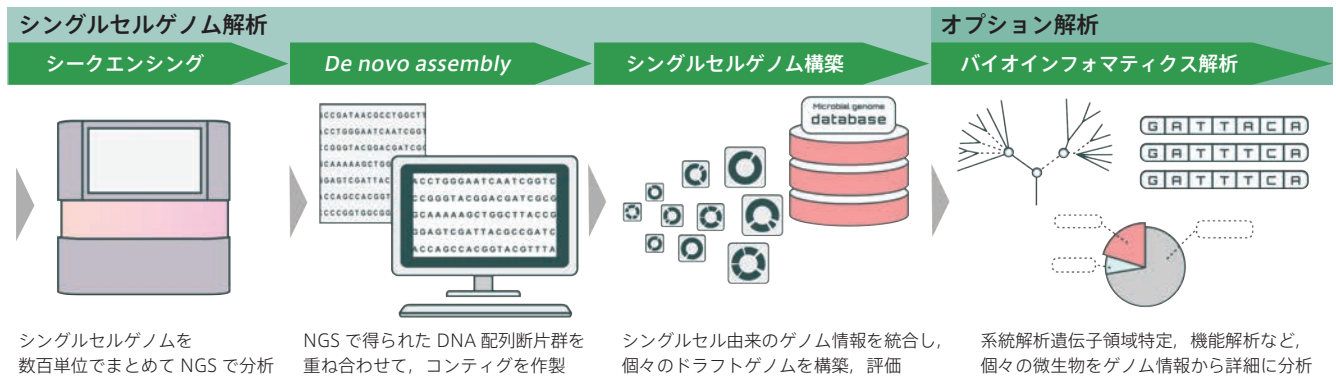
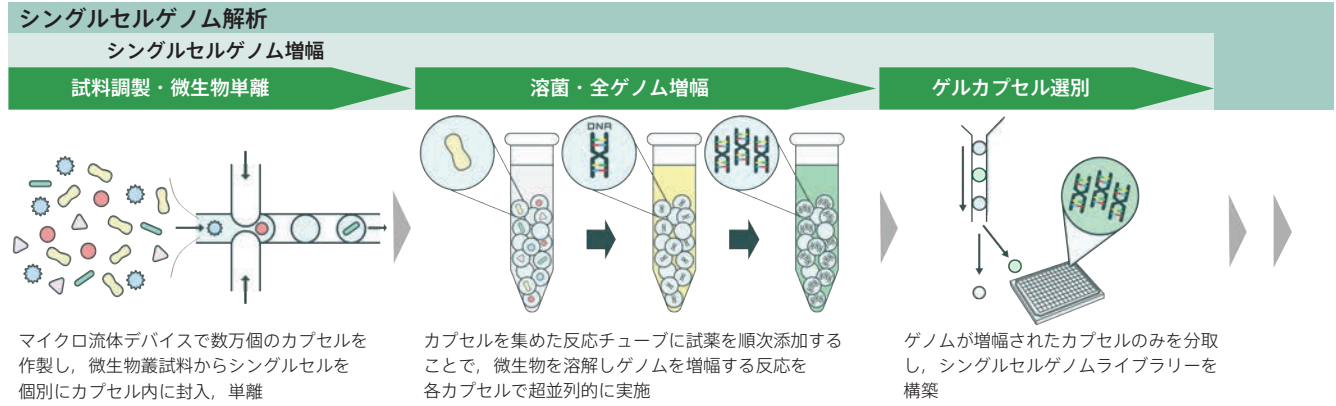


NEW

微生物シングルセルゲノム解析サービス bit-MAP[®]

微生物を培養することなく、細胞1個からゲノムを解読することで、目的の試料に含まれる多種類の未知微生物の全ゲノムを個別・網羅的に解読する受託サービスです。従来の16S rRNA 遺伝子解析やショットガンメタゲノム解析では困難であった、微生物株の同定、試料中に存在する遺伝子の由来となる微生物種の分析が可能です。



■bit-MAP[®] の特長と利点

手法	Isolation, Cultivation, and Sequencing	16S rRNA Sequencing	Shotgun Metagenomics	bit-MAP [®] Single-Cell Genomics
対象	単離培養できた微生物	難培養性を含むすべての微生物		
事前準備	月単位の検討が必要	試料から直接解析できる		
目的	1種類の微生物の機能を深く理解する	微生物の集団全体での特徴を捉える		個々の微生物の機能を深く理解する
原理	1種類の微生物の全ゲノムをシーケンス	1つの遺伝子(16S rRNA 遺伝子)をシーケンス	多種類の微生物ゲノム混合物をシーケンス	多種類の微生物の全ゲノムを個別・一度にシーケンス
解像度	株, 亜種レベル	属レベル	種レベル	株, 亜種レベル
得られる情報	1種類の微生物の全ゲノム配列 プラスミド配列 遺伝子リスト	試料中の微生物の存在比	試料中の微生物の存在比 遺伝子の存在比	個々の微生物の全ゲノム配列 プラスミド配列 遺伝子リスト
実験・分析バイアス	小さい	大きい	小さい	小さい
汚染リスク(ホストDNAなど)	小さい	大きい	大きい	小さい
解析負荷	小さい	小さい	大きい	制御できる

ご注文方法/価格

- 基本メニュー：シングルセルゲノム解析（標準）
384 well plate, 1 ウェルにつき 1 細胞
- 納品物：解析レポート, シーケンスデータ
- 発注可能単位：1 試料
- 価格：¥490,000

ご要望に合わせて幅広いオプションもご用意しています。また、複数試料を解析することも可能です。ショットガンメタゲノム解析も承ります。詳細は、当社受託・特注品担当までお問い合わせ下さい。[メーカー：BTB]