

## 次世代シーケンス解析受託サービス

Illumina

専門のスタッフが Illumina 社の HiSeq, NextSeq または MiSeq を用いてシーケンスを行う受託サービスです。ライブラリー作製やデータ解析のみのご依頼も承ります。 [メーカー：DNA]

### RNA-Seq 解析受託サービス

mRNA や lincRNA の配列をシーケンスし、発現変動のある遺伝子を同定する受託サービスです。RNA-Seq は、融合遺伝子の検出や新規プライム部位の検出、エクソンレベルでの発現差解析など豊富な情報が得られます。

ストランド特異的 RNA-Seq	センス鎖、アンチセンス鎖を区別しての解析が可能です。
微量試料からの RNA-Seq*	RNA 換算で 10 pg (プロトコル上のインプット量は 10 pg~10 ng) からの使用に耐えるスペックとなっています。数十細胞からの解析実績があります (シングルセルについてはお問い合わせ下さい)。
rRNA 除去による RNA-Seq (ヒト, マウス, ラットのみ対応)	rRNA 除去により, poly-A を持つ mRNA だけでなく, non-coding RNA の解析も可能になります。また, RNA の分解が進んだ FFPE 試料からの解析も可能です。

\*微量のため、試料の品質検査は行いません。total RNA (DNase 処理済み) をご送付いただきます。

### miRNA-Seq 解析受託サービス

- 遺伝子発現に大きく影響を与えることが知られている miRNA を次世代シーケンサーにより網羅的に解析します。
- 血清、血漿試料からの解析にも対応しています。
- 微量の RNA (3 µg~) からでもライブラリー調製が可能です。

### Cancer Panel 解析受託サービス

- QIAGEN 社の QIAseq Targeted DNA Panels を使用したがんパネル解析受託サービスです。
- 11 種類のがんパネルから目的に応じてご選択いただけます。
- ディープシーケンスにより 5% 以下の遺伝子変異を検出します。
- FFPE 試料等の分解が進んだ試料にも対応いたします。



## 日鉄環境株式会社

 Web ページ番号  
7853 

## NGS による 微生物相解析受託サービス

Illumina

NGS を用いて大量の細菌 16S rRNA 遺伝子配列を解読し、活性汚泥や土壌などの試料中に存在する細菌の数や種類を詳細に解析する受託サービスです。DNA 抽出からデータ解析まで、全工程に対応します。 [メーカー：JBI]

### 解析内容


- DNA 抽出 (オプション)
- 16S rRNA 遺伝子の定量 (リアルタイム PCR)
- PCR 増幅
- シーケンス解析 (MiSeq)
- データ解析

細菌 (V1, V2 もしくは V3, V4), 細菌・古細菌 (V4, V5), 真菌 (ITS1) の 4 つのメニューをご用意しています。真菌 (ITS1) を対象とする場合は、真菌 18S rRNA 遺伝子を定量します。目的に合わせてお選び下さい。

### 価格

6 万円/検体 (税抜)

※11 検体以上をご依頼の場合の価格、DNA 抽出などオプションサービスの価格は、お問い合わせ下さい。


 Web ページ番号  
6683 

## 有用微生物のスクリーニングに 細菌叢からの純化培養サービス

有用微生物を複数種含むカクテル状態の微生物群から純化して個々に培養を行うことで、細菌叢中の各微生物を分離・同定します。

### 受託内容

- 純化サービス
  - 複数の培地を用いて分離培養を試みます (細菌・カビなど)。
  - 確認されたコロニー数と形態確認を行います。
  - 分離・同定の実施についてはご相談させていただきます。
  - ※ 同定試験の際、DNA 抽出は 1 コロニーにつき最大 2 回まで実施します。
  - ※ 取得したシーケンスは BLAST Search による参照を行います。

### ■ 培養・保管サービス

- 小スケール検証培養 (1 L)
- 拡大培養 (10 L など)
- 保管

[メーカー：AHC]