



# 次世代シーケンサーを使用した解析サービス

illumina

サービスの詳細、ご依頼方法については、当社受託・特注品担当までお問い合わせ下さい。

[メーカー：ZYZ]

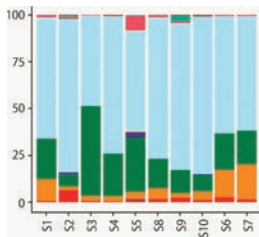
## マイクロバイオームのメタゲノム解析受託サービス

### 特長

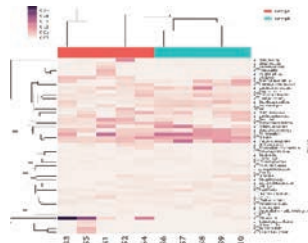
- ヒト糞便、環境水、土壌、食品などの幅広い試料に存在するマイクロバイオームの遺伝子解析 (NGS 解読) を行い、系統分類、同定を行う受託サービスです。
- スタンダードや核酸抽出などに ZymoBIOMICS 製品 (p.3 参照) を使用するため、エラーやバイアスが少なく、再現性の高いデータが期待できます。
- ※ お送りいただく試料は、DNA/RNA Shield (p.7 参照) により核酸の安定化およびウイルスなどの感染因子の不活性化を行っていただきます。

### 受託内容

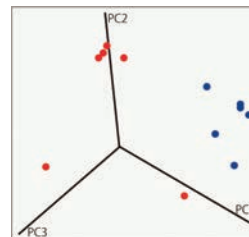
- 16S シークエンシング
- ITS シークエンシングサービス
- 18S シークエンシング
- ショットガンシークエンシング
- ※ Illumina 社 MiSeq を使用します。
- 調製した試料を解読後、独自のデータベースを用いた最先端のバイオインフォマティクスで解析します。
- 納品されるレポートは様々な形式のデータを含み、論文にそのまま使用可能です。



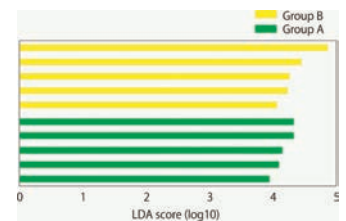
微生物組成の棒グラフ



微生物組成の存在度ヒートマップ



β-多様性の 3D プロット



LEfSe 解析

## バイサルファイトシーケンス受託サービス

### 特長

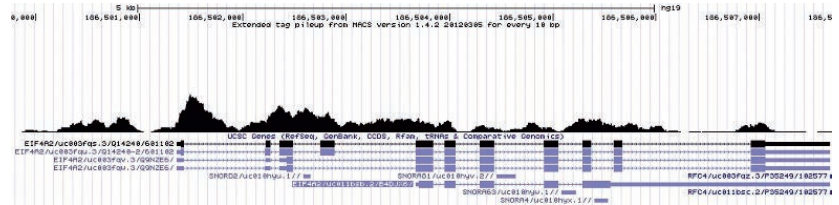
- 幅広い試料 (ヒト、マウス、ラット、植物など) からゲノムワイドな DNA メチル化 (5-mC) 解析を行うサービスです。
- 1 塩基の解像度で定量的なデータが得られます。

### 受託内容

- classic RRBS (カバー率：1.5~2 million sites)
- Methyl-MiniSeq (カバー率：3~4 million sites)
- Methyl-MaxiSeq (カバー率：全ゲノム)

## クロマチン免疫沈降試料の解析 (ChIP-Seq) 受託サービス

- クロマチン免疫沈降 (ChIP) の実施からライブラリーの調製、シーケンシング、バイオインフォマティクス解析まで一貫したサービスをご提供します。
- ヒストン修飾、タンパク質-DNA 相互作用に関するゲノムワイドな網羅解析や、タンパク質結合部位の同定に有用です。
- Illumina 社 HiSeq を使用してシーケンシングを行います。



解析例：ピークコーリング (ゲノム上のタンパク質結合部位と結合量の解析図)