



The Beauty of Science is to Make Things Simple

第3世代シーケンシング用の信頼性高い DNA スタンド

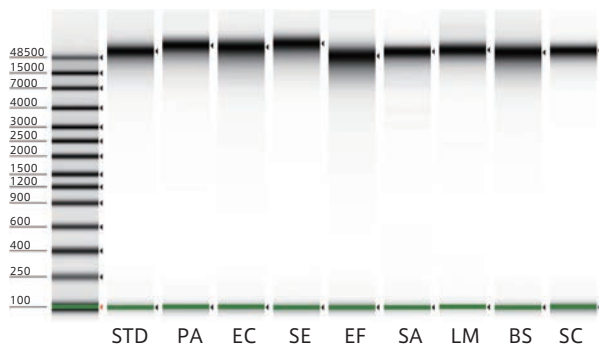
ZymoBIOMICS HMW DNA Standard

PacBio

Oxford Nanopore

ロングリードシーケンシング (Pacific Biosciences 社および Oxford Nanopore Technologies 社装置) による DNA シーケンシングおよびメタゲノム解析に使用できる信頼性の高いスタンダードです。

8種類の微生物由来 DNA が含まれています。



HMW DNA Standard に含まれる >50 kb の高分子量 DNA について

HMW DNA Standard (STD), および Standard に含まれる 8 種類の微生物由来 DNA それぞれを Agilent 2200 TapeStation で解析した。

PA : *Pseudomonas aeruginosa*

EC : *Escherichia coli*

SE : *Salmonella enterica*

EF : *Enterococcus faecalis*

SA : *Staphylococcus aureus*

LM : *Listeria monocytogenes*

BS : *Bacillus subtilis*

SC : *Saccharomyces cerevisiae*

特長

- >50 kb の高分子量 (HMW : High Molecular Weight) DNA で構成されています。
- 幅広い GC 含量の DNA を混合しているため、GC 含量起因のバイアス確認に有用です。
- ショットガン・メタゲノムシーケンシングを用いてロット毎の微生物構成を確認しています。
- 外来 DNA 含有量は <0.01% で、不純物はほとんど含まれていません。
- DNA 濃度 : 100 ng/μl
- 平均相対存在度偏差 : <15%

品名

メーカー 商品コード

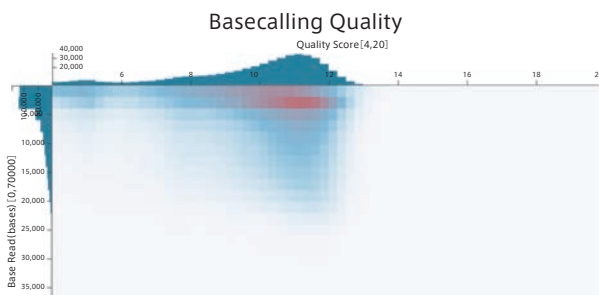
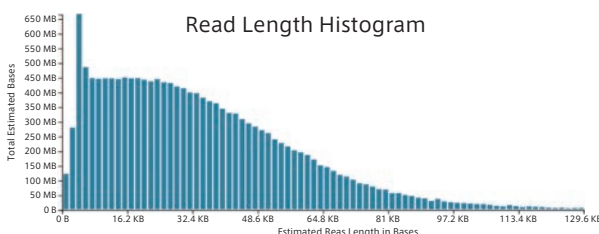
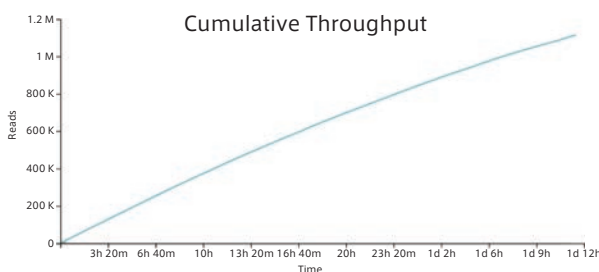
包装 / 価格 (¥)

ZymoBIOMICS HMW DNA Standard

ZYR D6322

0.75 ml / 77,000

使用例



本製品を試料として Ligation Sequencing Kit (Oxford Nanopore Technologies 社) でライブラリーを調製し、MinION (Oxford Nanopore Technologies 社) でロングリードシーケンシングを行った。

上段 : 累積スループット量は 15.71 Gb (36 時間読み取り) となった。

中段 : 読み取り長さは、最長 >125 kb を記録し、平均は約 24 kb を示した。

下段 : 読み取り回数のベースコール品質は、全体的に良好な q スコア 11 を示した。

こちらもおススメ



フナコシニュース
2020年1月合併号

キレイに磨き上げます
核酸精製特集

ご希望の方は当社営業担当
までお問い合わせ下さい。

営業担当

FAX 03-5684-1634

sales@funakoshi.co.jp

